



GENESEED® pK5ssAAV-ciR

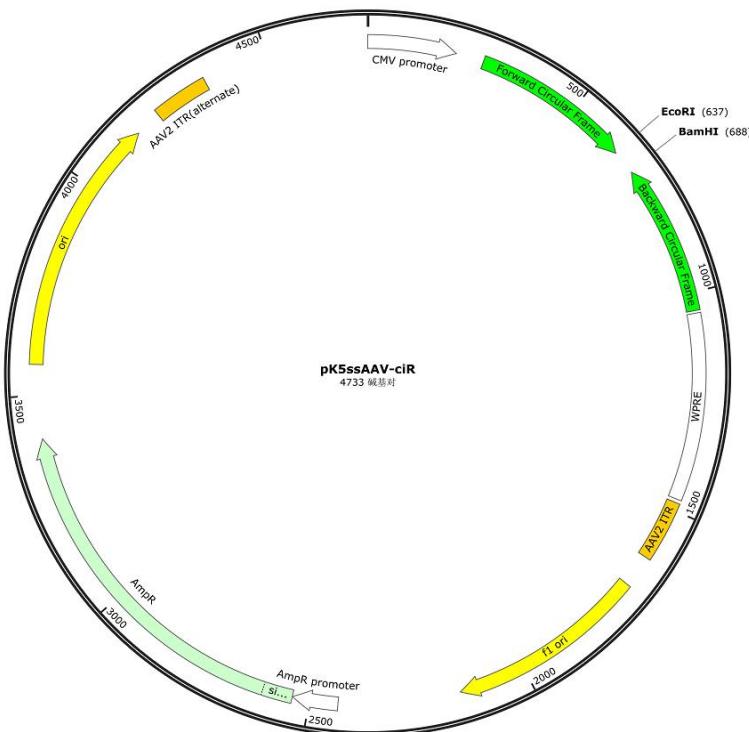
| 货号 | 产品名称 | 规格 | 运输与保存 |
|--------|------------------------|----------------|-----------------------|
| GS0109 | GENESEED® pK5ssAAV-ciR | 10μg质粒+200μL菌液 | 2 ~ 8°C运输 ≤-20°C保存 |

产品介绍：

第五代 circRNA 表达载体 pK5ssAAV-ciR 含有吉赛生物专利技术的 circRNA 表达框架，含有精心改造的 Alu 元件、QKI 等 RBP 的结合位点，并使用全新设计的环化介导序列，能保证插入的 circRNA 准确高效率环化。表达框架中间预留 EcoRI 和 BamHI 酶切位点，可直接通过酶切连接插入目的 circRNA 片段。本载体骨架为腺相关病毒 (Single stranded adeno-associated virus, ssAAV) ，最大容量为 2500 nt。

产品特点：

- 过表达效率高：专利技术的 circRNA 表达框架能使 circRNA 显著过表达；
- 环化准确性高：特有的环化介导序列能有效保证目的 circRNA 环化无碱基添加或缺失；
- 过表达稳定性高：对 200 nt 到 2500 nt 的 circRNA 都能实现准确高效过表达。





使用说明：

1. 载体准备

载体上 EcoRI 和 BamHI 酶切位点中间加入了一段 45 bp 的 Stuffer，使用前需先以 EcoRI 和 BamHI 对载体双酶切去除 Stuffer 并回收开环空载体，然后与经双酶切的目的 circRNA 片段进行连接。

2. 克隆引物设计

按照一般的 PCR 引物设计规则设计扩增 circRNA 线性序列的引物，设计好后需在正向引物 5' 端加入 EcoRI 酶切位点、正向环化介导序列和 AG 受体，反向引物 5' 端加入 BamHI 酶切位点、反向环化介导序列和 GT 供体。

Primer-F: 5' CGGAATTCTAATACTTTAG+原引物序列 3'
Primer-R: 5' CGGGATCCAGTTGTTCTTAC+原引物序列 3'

PCR 产物结构如下：

GAATTCTAATACTTTAG
CTTAAG ATTATGAAAGTC Linear sequence of circRNA GT AAGAACAACTGGATCC
CA TTCTTGTTGACCTAGG

3. 测序鉴定

测序鉴定需在目的 circRNA 片段中部设计两条引物，双向交叉测序，两条引物间隔不短于 90bp。若目的 circRNA 序列小于 700bp，可直接以克隆引物双向测序。

注意事项：

以此载体包装慢病毒应使用 psPAX2、pMD2.G 两个辅助质粒。

常见问题：

| | |
|----------------|----------------------------------------------------------------|
| 克隆效率低 | PCR 产物纯化后再进行酶切 |
| | PCR 产物和空载体酶切产物纯化后进行连接反应 |
| | 调整连接体系中插入片段与载体的比例，若使用 T4 DNA Ligase，推荐使用插入片段与载体的摩尔比为 1:1 到 5:1 |
| 菌液 PCR 鉴定无阳性克隆 | 优化 PCR 条件 |
| | 挑取更多单克隆进行 PCR 鉴定 |
| | 测序鉴定选取的单克隆 |
| | 选取的单克隆抽提质粒后进行酶切鉴定 |